



Kesäkuu 2022

therascreen[®] EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan käyttöohje



Versio 1

IVD

In vitro -diagnostiikkaan

Käytettäväksi Rotor-Gene[®] Q MDx 5plex HRM -laitteiden kanssa

CE

REF

870311



QIAGEN GmbH, QIAGEN Strasse 1, 40724 Hilden, SAKSA

R6 **MAT**

1127512FI

Sisältö

Käyttötarkoitus.....	5
Yhteenveto ja selitykset.....	6
Menetelmän toimintaperiaate.....	7
Sarjan rakenne.....	7
Määrittelyt.....	8
Kontrollit.....	9
Toimitetut materiaalit.....	10
Sarjan sisältö.....	10
Tarvittavat materiaalit, jotka eivät kuulu toimitukseen.....	11
Varoitukset ja varotoimet.....	12
Turvallisuustiedot.....	12
Yleiset varotoimet.....	12
Reagenssien säilytys ja käsittely.....	14
Näytteiden säilytys ja käsittely.....	16
Menetelmä.....	17
Protokolla: EGFR-mutaatioiden havaitseminen.....	18
Protokolla: Rotor-Gene Q EGFR:n valmisteleminen.....	22
Mutaation arviointitietojen analyysi.....	29
Vianmäärittämysopas.....	36
Laadunvalvonta.....	38
Rajoitukset.....	38
Suorituskykyominaisuudet.....	40

Analyttinen herkkyys – tyhjän raja (LOB-raja)	40
Havaitsemisraja (Limit of Detection, LOD)	40
Analyttinen herkkyys – ΔC_T -rajat ja ΔC_T -raja-arvoalueet	42
Toistettavuus ja uusittavuus.....	42
Lähtö-DNA:n vaikutus C_T -arvoihin	42
Häiritsevät aineet	43
Kliininen suorituskyky	47
Lähdeviitteet	48
Yhteystiedot	49
Symbolit	50
Liite A: Mutaatiotiedot	52
Tilastiedot	53
Asiakirjan muutoshistoria	55

Käyttötarkoitus

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja on in vitro -diagnostinen testi eksonin 19 deleetioiden sekä eksonin 20 ja 21 substituutioiden (T790M ja L858R) havaitsemiseen epidermisen kasvutekijäreseptorigeenissä (Epidermal Growth Factor Receptor, EGFR). Testi antaa kvalitatiivisen arvion mutaation tilasta. Tulosten on tarkoitus auttaa tunnistamaan potilaat, joilla on ei-pienisolainen keuhkosityöpä (Non-Small Cell Lung Cancer, NSCLC) ja jotka voivat hyötyä IRESSA®-hoidosta (gefitinibi), kun kudoksenäytettä ei voida arvioida.

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja on tarkoitettu koulutetun henkilöstön käytettäväksi ammattimaisessa laboratorioympäristössä DNA-näytteisiin, jotka on eristetty ei-pienisoluista keuhkosityöpää sairastavan potilaan veren plasmasta.

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja on tarkoitettu in vitro -diagnostiseen käyttöön.

Yhteenveto ja selitykset

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja on käyttövalmis sarja syöpään liittyvän EGFR-geenin mutaation tunnistamiseen polymeerasiketjureaktiomenetelmän (Polymerase Chain Reaction, PCR) avulla Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitetta käyttämällä.

Scorpions®- ja ARMS-tekniikoiden avulla *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja mahdollistaa seuraavien EGFR-geenin mutaatioiden tunnistamisen villityypin genomisesta DNA:sta.

- Deleefiot eksonissa 19
- T790M
- L858R

Käytetyt menetelmät ovat erittäin selektiivisiä ja – DNA:n kokonaismäärän mukaan – mahdollistavat pienen mutaatioprosentin havaitsemisen villityypin genomisessa DNA:ssa. Annetut selektiivisyys- ja havaitsemisrajat ovat tehokkaampia kuin väriaineeseen perustuva sekvensointi.

Menetelmän toimintaperiaate

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja tunnistaa mutaatioita kahden tekniikan – ARMS ja Scorpions – avulla real-time PCR:llä (Polymerase Chain Reaction, PCR).

ARMS

Alleeli- tai mutaatiokohtainen monistus saadaan aikaan ARMS-tekniikan (amplifikaation refraktaarinen mutaatiojärjestelmä) avulla. Taq DNA -polymeraasi (Taq) erottaa tehokkaasti vastaavuudet ja poikkeamat PCR-alukkeen 3'-päässä. Spesifiset mutaation läpikäyneet sekvenssit monistuvat tasaisesti näytteissä, joissa suurimmassa osassa sekvenssejä mutaatiota ei ole. Kun alukkeen vastaavuus on täydellinen, monistus jatkuu täydellä teholla. Kun 3'-pään emäs ei ole vastaava, tapahtuu vain matalan tason taustan monistusta.

Scorpions

Monistuksen tunnistamisessa käytetään Scorpions-tekniikkaa. Scorpionit ovat bifunktionaalisia molekyyliä, jotka sisältävät PCR-aluketta, joka on kovalenttisesti kiinnittynyt koettiin. Koettimen fluoresoiva aine liittyy koettimessa olevaan sammuttajaan, joka vähentää fluoresenssia. Kun koetin PCR:n aikana sitoutuu amplikoniin, fluoresoiva aine ja sammuttaja irtoavat toisistaan. Tämä johtaa fluoresenssin lisääntymiseen reaktioputkesta.

Sarjan rakenne

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjaan sisältyy neljä määrittystä:

- yksi kontrollimäärittys (Ctrl)
- kolme mutaatiomäärittystä.

Kaikki reaktioseokset sisältävät reagensseja, jotka tunnistavat FAMTM-kohteen ja sisäisen HEXTM-kontrollin. Sisäinen kontrollimääritys voi havaita inhibiittoreita, jotka voivat johtaa virheellisiin negatiivisiin tuloksiin. FAM-monistus voi ylikilpailaa kontrollimonistuksen kanssa ja sisäisen kontrollin tarkoitus on vain osoittaa, että jos FAM-monistusta ei ole, tulos on todellinen negatiivinen tulos eikä syynä ole epäonnistunut PCR-reaktio.

Määritykset

Kontrollimääritys

Kontrollimäärityksellä, joka on leimattu FAM:lla, arvioidaan näytteen DNA-kokonaismäärä. Kontrollimääritys monistaa EGFR-geenin eksonin 2 alueen. Aluke ja koetin on suunniteltu välttämään tunnettuja EGFR-polymorfismeja.

Mutaatiomääritykset

Jokaisessa mutaatiomäärityksessä on FAM-merkitty Scorpion-koetin ja ARMS-alue, joilla erotetaan villityypin DNA ja erityinen DNA:n mutaatio.

Kontrollit

Kaikissa testierissä on oltava mukana seuraavat kontrollit:

Positiivinen kontrolli

Jokaisessa testierässä on oltava mukana positiivinen kontrolli putkissa 1-4. *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja sisältää EGFR-positiivisen kontrollin (Positive Control, PC), jota käytetään mallina positiivisessa kontrollireaktiossa. Positiiviset kontrollitulokset arvioidaan, jotta voidaan varmistaa, että sarja toimii mainittujen hyväksyntäkriteerien vaatimusten mukaisesti.

Negatiivinen kontrolli

Jokaisessa testierässä on oltava mukana negatiivinen kontrolli (malliton kontrolli, NTC) putkissa 9–12. NTC sisältää nukleasitonta vettä (H₂O) käytettäväksi "mallina" mallittomassa kontrollissa. Mallitonta kontrollia käytetään arvioimaan mahdollinen kontaminaatio erän valmistelun aikana ja arvioimaan sisäisen kontrollin reaktion toimintaa.

Sisäisen kontrollireaktion arviointi

Jokainen reaktioseos sisältää kohdereaktion lisäksi sisäisen kontrollin. Epäonnistuminen osoittaa, että läsnä saattaa olla inhibiittoreita, jotka voivat johtaa virheelliseen negatiiviseen tulokseen. Kyseessä voi myös olla testin suorittajan virheellinen putken käsittely erän valmistelun aikana.

Jos sisäisen kontrollin virhe johtuu PCR-inhibitiosta, näytteen laimentaminen saattaa vähentää inhibiittorien vaikutusta. Tässä tapauksessa on kuitenkin huomattava, että tällöin myös kohde-DNA laimenee. FAM-monistus voi ylikilpailla sisäisen kontrollin monistuksen kanssa niin, että saatu IC CT (HEX) -arvo voi olla määritetyn vaihteluvälin ulkopuolella. Näiden näytteiden FAM-tulokset ovat silti hyväksyttäviä.

Toimitetut materiaalit

Sarjan sisältö

<i>therascreen</i> EGFR Plasma RGQ PCR Kit Tuotenumero Reaktioiden määrä			(24) 870311 24
Punainen	Control Reaction Mix (Kontrollireaktioseos)	Ctrl	2 x 600 µl
Violetti	T790M Reaction Mix (T790M-reaktioseos)	T790M	600 µl
Oranssi	Deletions Reaction Mix (Deleetioiden reaktioseos)	Del	600 µl
Vaaleanpunainen	L858R Reaction Mix (L858R-reaktioseos)	L858R	600 µl
Beige	EGFR Positive Control (EGFR-positiivinen kontrolli)	PC	300 µl
Mintunvihreä	<i>Taq</i> DNA Polymerase (<i>Taq</i> DNA-polymeraasi)	<i>Taq</i>	2 x 80 µl
Valkoinen	Nuclease-Free Water for No Template Control (Nukleasiton vesi mallittomaan kontrolliin)	NTC (Malliton kontrolli)	1 x 1,9 ml
Valkoinen	Nuclease-Free Water for Dilution (Nukleasiton vesi laimennukseen)	Dil	1 x 1,9 ml
<i>therascreen</i> EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan käyttöohje (käsikirja)			1

Tarvittavat materiaalit, jotka eivät kuulu toimitukseen

Kemikaalien kanssa työskennellessä on aina käytettävä laboratoriotakkia, kertakäyttökäsineitä ja suojalaseja. Lisätietoja on tuotekohtaisissa käyttöturvatieotteissa (Safety Data Sheets, SDS), joita saa tuotteen toimittajalta.

- DNA:n eristämistarja (katso Menetelmä, sivu 17)
- tarkoitukseen sopivia pipettejä* (säädettäviä) näytteen valmisteluun
- tarkoitukseen sopivia pipettejä* (säädettäviä) PCR-päaseoksen valmisteluun
- tarkoitukseen sopivia pipettejä* (säädettäviä) malli-DNA:n annosteluun
- DNA:ttomia, RNA:ttomia ja DNA:ttomia, suodattimellisia pipetin kärkiä (ristikontaminaation välttämiseksi suosittelemme käyttämään pipetin kärkiä, joissa on aerosoliesteet)
- vesihaude tai samantapainen laite, johon mahtuu 50 ml:n sentrifugiputkia lämpötilassa 60 °C.
- lämmitin tai samantapainen laite, joka voi inkuboida lämpötilassa 56 °C†
- jäämurskaa
- roottorillinen pöytämallinen sentrifugi* 2 ml:n reaktioputkille
- vortex-sekoittaja
- Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laite* †, jossa on Cycling Green- ja Cycling Yellow -fluoresenssikanava (FAM:n ja HEX:n tunnistamiseen)
- Rotor-Gene Q -ohjelmistoversio 2.3.5 tai uudempi
- Strip Tubes and Caps, 0.1 ml, käytettäväksi tuotteen 72-well rotor kanssa (tuotenumero 981103 tai 981106)
- DNA:ttomat, RNA:ttomat ja DNA:ttomat mikrosentrifugiputket päaseosten valmistusta varten
- Loading Block 72 x 0.1 ml Tubes, alumiinilohko manuaaliseen reaktion valmisteluun, sis. yksikanavainen pipetti (QIAGEN, tuotenumero 9018901).

* Varmista, että välineet on tarkastettu ja kalibroitu valmistajan ohjeiden mukaan.

† Joissakin maissa voidaan tilanteen mukaan käyttää Rotor-Gene Q 5plex HRM -laitetta, jonka valmistuspäivä on toukokuussa 2011 tai myöhemmin. Valmistuspäivämäärä käy ilmi laitteen taustapuolella olevasta sarjanumerosta. Sarjanumero on muodossa "kkvnnn", jossa "kk" on valmistuskuukausi, "vv" on valmistusvuoden kaksi viimeistä numeroa ja "nnn" on laitteen tunnistenumero.

Varoitukset ja varotoimet

In vitro -diagnostiikkaan

Ammattilaiskäyttöön

Turvallisuustiedot

Kemikaalien kanssa työskennellessä on aina käytettävä laboratoriotakkia, kertakäyttökäsineitä ja suojalaseja. Lisätietoa saa tuotekohtaisista käyttöturvatiedoista (Safety Data Sheet, SDS). Ne ovat saatavana PDF-tiedostoina osoitteessa www.qiagen.com/safety. Voit hakea, lukea ja tulostaa kaikkien QIAGEN-sarjojen ja niiden osien käyttöturvallisuustiedotteet.

Yleiset varotoimet

Käyttäjän on aina huomioitava alla mainitut varotoimet:

- Käytä suodattimellisia DNAasittomia, RNAasittomia ja DNA:ttomia pipetinkärkiä ja varmista, että pipetit on kalibroitu valmistajan ohjeiden mukaisesti.
- Säilytä ja eristä positiiviset materiaalit (näytteet ja positiiviset kontrollit) erikseen kaikista muista reagensseista, ja lisää ne reaktioseokseen erillisessä tilassa.
- Sulata kaikki osat huolellisesti huoneenlämpötilassa (15–25 °C) ennen määrittämisen aloittamista.
- Kun ne ovat sulaneet, sekoita osat kääntämällä kukin putki ylösalaisin 10 kertaa ja sentrifugoi ne lyhyesti.

Huomautus: Varmista huolellisesti, etteivät PCR:t pääse kontaminoitumaan synteettisestä kontrollimateriaalista. Suosittelemme käyttämään reaktioseosten valmistuksessa ja DNA-mallin lisäämisessä tarkoitukseen sopivia, erillisiä pipettejä. Reaktioseosten valmistaminen ja annostelu on suoritettava eri paikassa kuin mallin lisääminen. Rotor-Gene Q -putkia ei saa avata PCR-ajon on päättymisen jälkeen. Syynä on laboratorioskotaminoitumisen estäminen PCR-ajon jälkeen.

Huomautus: Reagenssit on hyväksytty käytettäväksi manuaalisessa valmistelussa. Jos käytetään automaattista menetelmää, se voi vähentää mahdollisten reaktioiden määrää, koska reagenssien on täytettävä näiden laitteiden "kuolleet tilat".

Huomautus: Kaikki *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan reagenssit on suunniteltu erityisesti käytettäväksi mainittujen testien yhteydessä. Kaikki *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan mukana toimitetut reagenssit on tarkoitettu käytettäväksi ainoastaan muiden samaan *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjaan sisältyvien reagenssien kanssa.

Pakkauksen reagensseja ei saa korvata muilla reagensseilla, jos halutaan säilyttää pakkauksen optimaalinen suorituskyky.

Huomautus: Käytä ainoastaan sarjan mukana toimitettua *Taq* DNA -polymeraasia (*Taq*). Älä korvaa *Taq* DNA -polymeraasia muiden saman- tai toisentyyppisten sarjojen polymeraaseilla tai muiden toimittajien *Taq* DNA -polymeraaseilla.

Huomautus: *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan reagenssit on laimennettu optimaaliseen vahvuuteen. Emme suosittele laimentamaan reagensseja enempää, koska seurauksena saattaa olla suorituskyvyn heikkeneminen. Suosittelemme yhdellä kertaa käytettävän reagenssin vähimmäismääräksi 25 µl, koska muutoin virheellisten negatiivisten tulosten riski kasvaa.

Reagenssien säilytys ja käsittely

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja toimitetaan hiilihappojäähän pakattuna. Jos *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja ei ole vastaanottohetkellä jäässä tai jos ulkopakkaus on avattu kuljetuksen aikana tai jos toimituspakkaus ei sisällä lähetysluetteloa, käyttöohjetta tai reagensseja, ota yhteyttä QIAGENin tekniseen palveluun tai paikalliseen jälleenmyyjään (katso lisätietoja osoitteesta www.qiagen.com).

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja on varastoitava välittömästi vastaanoton jälkeen tasaisessa $-30...-15$ °C:n lämpötilassa olevaan pakastimeen valolta suojattuna. Kyseisissä olosuhteissa säilytetty *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja on stabiili mainittuun viimeiseen käyttöpäivämäärään asti.

Avatut reagenssit voidaan säilyttää alkuperäispakkauksissaan $-30...-15$ °C:n lämpötilassa 12 kuukautta tai pakkauksessa olevaan viimeiseen käyttöpäivään asti (näistä ensin umpeutuvaan). Sarjan toistuvaa sulattamista ja pakastamista on vältettävä. Pakastamis- ja sulattamisjaksoja saa olla enintään kahdeksan.

Reagensseja on sulatettava huoneenlämmössä vähintään 1 tunti ja enintään 4,5 tuntia. Kun reagenssit ovat valmiita käytettäväksi, PCR-reaktiot voidaan valmistella ja pääseokset sisältävät Rotor-Gene Q -putket ja DNA-näyte on lisättävä Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteeseen välittömästi. Kokonaisuina PCR:n valmistelun aloittamisesta ajon alkuun ei saa olla yli:

- 6 tuntia, jos putkia säilytetään huoneenlämmössä
Huomautus: tämä aika sisältää sekä PCR:n valmistelun että säilytyksen.
- 18 tuntia, jos putkia säilytetään jääkaapissa ($2-8$ °C:ssa)
Huomautus: tämä aika sisältää sekä PCR:n valmistelun että säilytyksen.

Huomautus: Reaktioseosten reagenssien Scorpionit (kuten kaikki fluoresoivalla aineella merkityt molekyylit) ovat valoherkkiä. Vältä valon aiheuttama valkaisu suojaamalla kontrolli- ja reaktioseosten reagenssit valolta.

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan reagenssit on laimennettu optimaalisesti eikä lisäpuhdistusta tai -käsittelyä tarvita ennen niiden käyttöä analyysissä *therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit* -sarjan käyttöohjeiden (käsikirjan) mukaisesti.

Kaikki kaikkien osien pakkauksiin ja etiketteihin painetut viimeistä käyttöpäivää ja säilytystä koskevat ohjeet on huomioitava. Älä käytä vanhentuneita tai virheellisesti säilytettyjä komponentteja.

Näytteiden säilytys ja käsittely

Huomautus: Kaikkia näytteitä on käsiteltävä tartuntavaarallisena materiaalina.

Näytteen materiaalin täytyy olla ihmisen genomista DNA:ta, joka on eristetty plasmasta. Näytteet on kuljetettava tavanomaisia patologian käytäntöjä noudattaen näytteen hyväksyttävän laadun varmistamiseksi.

Menetelmä

DNA:n eristäminen

Tämän sarjan suorituskykyominaisuudet on saatu käyttämällä QIAamp® Circulating Nucleic Acid Kit -sarjalla (tuotenro 55114) eristettyä DNA:ta. Jos käytössä on QIAamp Circulating Nucleic Acid Kit -sarja, suorita DNA:n eristäminen käsikirjan ohjeiden mukaisesti huomioiden myös alla esitetyt ohjeet.

- Plasman alkumäärä on 2 ml.
- Ennen DNA:n eristämistä 2 ml plasmaa on sentrifugoitava nopeudella 3 000 r/min kahden minuutin ajan ja supernatantti siirrettävä puhtaaseen putkeen.
- Proteinaasi K:n määrän on oltava 250 µl.
- Proteinaasi K:ta on hajotettava 1 tunnin ajan 60 °C:ssa.
- Puhdistettu genominen DNA on eluoitava 55 µl:aan Buffer AVE -puskuria (sisältyy QIAamp Circulating Nucleic Acid Kit -sarjaan).
- Säilytä puhdistettu genominen DNA -30...-15 °C:n lämpötilassa.

Huomautus: Kaikki *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan määritykset tuottavat lyhyitä PCR-tuotteita. *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja ei kuitenkaan toimi voimakkaasti fragmentoituneen DNA:n kanssa.

Protokolla: EGFR-mutaatioiden havaitseminen

Tärkeitä huomioita ennen kuin aloitat

- Jotta saadut tulokset olisivat tarkkoja, tarkista, että määrityksen valmisteluvaiheen jokainen sekoitusvaihe suoritetaan annettujen ohjeiden mukaan.
- Jokaisessa ajossa voidaan käsitellä enintään 16 näytettä.
- Lue ennen toimenpiteen aloittamista kohta Yleiset varotoimet sivulta 12.
- Tutustu huolellisesti Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteen käyttöön ennen protokollan suorittamista. Tutustu laitteen käyttöoppaaseen.
- Älä sekoita *Taq* DNA -polymeraasia (*Taq*) tai mitään *Taq* DNA -polymeraasia sisältävää seosta vortex-laitteessa, sillä sekoittaminen saattaa inaktivoida entsyymiä.
- Pipetoi *Taq* asettamalla pipetin kärki aivan nestepinnan alapuolelle, jotta kärkeen ei pääse liikaa entsyymiä.
- Kustakin DNA-näytteestä on analysoitava kontrolli ja mutaatio samalla PCR-ajolla, jotta ajojen välinen vaihtelu vältetään.
- Käytä *therascreen* EGFR RGQ PCR Kit -sarjan reagenssit mahdollisimman tehokkaasti luomalla täysiä ajoja tekemällä DNA-näytteistä mahdollisimman suuria eriä. Näytteiden testaaminen erikseen tai pieninä erinä kuluttaa enemmän reagensseja ja vähentää *therascreen* EGFR RGQ PCR Kit -sarjalla testattavien näytteiden kokonaismäärää.

Ennen kuin aloitat

- Ennen jokaista reagenssien käyttökertaa kaikkia reagensseja on sulatettava huoneenlämmössä (15–25 °C) vähintään yhden tunnin ja enintään 4,5 tunnin ajan, käännettävä 10 kertaa ja käytettävä sentrifugissa hetken aikaa, jotta putken pohjalla oleva sisältö sekoittuu.
- Varmista ennen jokaista käyttökertaa, että *Taq* on huoneenlämpöistä (15–25 °C). Käytä putkea hetki sentrifugissa, jotta putken pohjalla oleva sisältö sekoittuu.
- Sekoita kaikkia näytteitä kääntämällä ne ylösalaisin 10 kertaa ja käyttämällä niitä sentrifugissa hetken aikaa, jotta putken pohjalla oleva sisältö sekoittuu.

Menetelmä

1. Sulata reaktioseoksia, mallitonta kontrollia varten tarkoitettua nukleasitonta vettä (No Template Control, NTC) ja EGFR-positiivista kontrollia (Positive Control, PC) huoneenlämmössä (15–25 °C) vähintään yhden tunnin ajan (Taulukko 1). Kun reagenssit ovat sulaneet, sekoita ne käänteleillä jokaista putkea 10 kertaa, jotta paikallisia suolakertymiä ei pääse muodostumaan, ja sentrifugoi sen jälkeen hetken aikaa, jotta putken pohjalla oleva materiaali sekoittuu.

Taulukko 1. Sulatusajat, PCR:n valmisteluajat ja säilytyslämpötilat

Vähimmäissulatusaika	Enimmäissulatusaika	Säilytyslämpötila PCR:n valmistelun jälkeen	PCR:n valmistelun ja säilytyksen enimmäisaika
1 tunti	4,5 tuntia	Huoneenlämpötila (15–25 °C)	6 tuntia
1 tunti	4,5 tuntia	2–8 °C	18 tuntia

Huomautus: PCR:n valmistelu on tehtävä huoneenlämmössä. Säilytyksellä tarkoitetaan aikaa PCR:n valmistelun ja Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteella aloitettavan PCR-ajon välillä.

Huomautus: Tuo *Taq* DNA -polymeraasi (putki *Taq*) huoneenlämpöön (15–25 °C) samaan aikaan kuin muut reagenssit (katso "Reagenssien säilytys ja käsittely", sivu 14). Käytä putkea hetki sentrifugissa, jotta putken pohjalla oleva sisältö sekoittuu.

2. Tee seuraavat toimet:

- 2a. Merkitse neljä mikrosentrifugiputkea (ei sisälly sarjaan) kunkin taulukossa 2 mainitun reaktioseoksen mukaan.

- 2b. Valmista riittävästi pääseoksia (kontrolli- tai mutaatioreaktioseosta [putki CTRL, T790M, deleetit, L858R] plus *Taq* DNA -polymeraasia [*Taq*]) DNA-näytteitä varten, yksi EGFR-positiivinen kontrollireaktio (putki PC) ja yksi nukleasiton vesi mallittamaan kontrollireaktioon (putki NTC) taulukossa 2 ilmoitettu määrä.

Huomautus: Sisällytä mukaan reagensseja yhtä ylimääräistä näytettä varten, jotta mahdollistaa riittävän kattavuuden PCR-määrittystä varten.

Pääseokset sisältävät kaikki PCR:ää varten tarvittavat komponentit näytettä lukuun ottamatta.

Taulukko 2. Pääseosten valmisteleminen*

Määrittäminen	Reaktioseosputki	Reaktioseoksen määrä	Taq DNA -polymeraasin (putki Taq) määrä
Kontrolli	CTRL	19,50 µl x (n + 1)	0,50 µl x (n + 1)
T790M	T790M	19,50 µl x (n + 1)	0,50 µl x (n + 1)
Deleetiot	Del	19,50 µl x (n + 1)	0,50 µl x (n + 1)
L858R	L858R	19,50 µl x (n + 1)	0,50 µl x (n + 1)

* Valmista pääseosta valmistaessasi riittävä määrä seosta yhtä ylimääräistä näytettä varten, jotta mahdollistat riittävän kattavuuden PCR-määrittäystä varten.

Huomautus: valmistettaessa pääseosta kontrolli- tai mutaatioreaktioseokseen tarvittava määrä lisätään asianomaiseen putkeen ensin ja Taq DNA -polymeraasi lisätään viimeiseksi.

3. Aseta sopiva määrä PCR:n 4-liuskaputkia (kussakin liuskassa on neljä putkea) latauslohkoon taulukossa 3 esitetyllä tavalla. Älä pane putkiin korkkeja.

Huomautus: jätä korkit muovisäiliöön myöhempää käyttöä varten.

4. Pane pääseoksen putkeen korkki ja käännä putkea 10 kertaa ylösalaisin, jotta seos sekoittuu. Käytä putkea sen jälkeen hetki sentrifugissa, jotta seos siirtyy putken pohjalle. Lisää välittömästi 20 µl pääseosta jokaiseen PCR-liuskaputkeen.
5. Lisää välittömästi 5 µl nukleasitonta vettä (H₂O) mallittoman kontrollin PCR-liuskaputkiin (PCR-putket numero 9–12) ja aseta putkien korkit paikoilleen.
6. Lisää 5 µl näytettä jokaiseen näyteputkeen (PCR-putkiin numero 5–8, 13–16 ja 17–72) ja aseta putkien korkit paikoilleen.
7. Lisää 5 µl EGFR-positiivista kontrollia (Positive Control, PC) positiivisiin kontrolliputkiin (PCR-putket numero 1-4). Kaikki DNA-näytteet on testattava sekä kontrollilla että kaikilla mutaatiomäärittäyksillä. Työnkulku näkyy taulukossa 3.

Taulukko 3. Kontrolli- ja mutaatiomääritysten asettelu

Määrittäminen	Kontrollit		Näytteen numero						
	PC	NTC (Malliton kontrolli)	1	2	3	4	5	6	7
Ctrl	1	9	17	25	33	41	49	57	65
T790M	2	10	18	26	34	42	50	58	66
Deleetiot	3	11	19	27	35	43	51	59	67
L858R	4	12	20	28	36	44	52	60	68
Näytteen numero									
Määrittäminen	8	9	10	11	12	13	14	15	16
Ctrl	5	13	21	29	37	45	53	61	69
T790M	6	14	22	30	38	46	54	62	70
Deleetiot	7	15	23	31	39	47	55	63	71
L858R	8	16	24	32	40	48	56	64	72

8. Merkitse tussilla alin numerokohta kunkin PCR:n 4-liuskaputken ensimmäisten putkien kansiin (esim. kohdat 1, 5, 9 jne.), jotta näet putkien lataussuunnan Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteen 72-kuoppaiseen roottoriin.
9. Kääntelee kaikkia suljettuja putkia 4 kertaa, jotta näyte ja reaktioseos sekoittuvat.
10. Aseta kaikki PCR:n 4-liuskaputket asianomaisiin kohtiin 72-kuoppaiseen roottoriin ja tarkista silmämääräisesti, että kaikissa putkissa on sama määrä.
Huomautus: varmista, että putkiliuskat eivät käänny ympäri, kun siirrä ne roottoriin.
11. Jos roottori ei ole täynnä, täytä jäljellä olevat kohdat korkillisilla tyhjiillä putkilla.
12. Aseta roottori välittömästi Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteeseen. Varmista, että lukitusrengas (Rotor-Gene Q MDx -laitteen varuste) on asetettu roottorin päälle, jotta putket pysyvät paikoillaan ajon aikana.
13. Katso Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteen valmisteluohjeista (katso Protokolla: Rotor-Gene Q EGFR:n valmisteleminen, sivu 22), miten luot lämpötilaprofiilin ja käynnistät ajon.

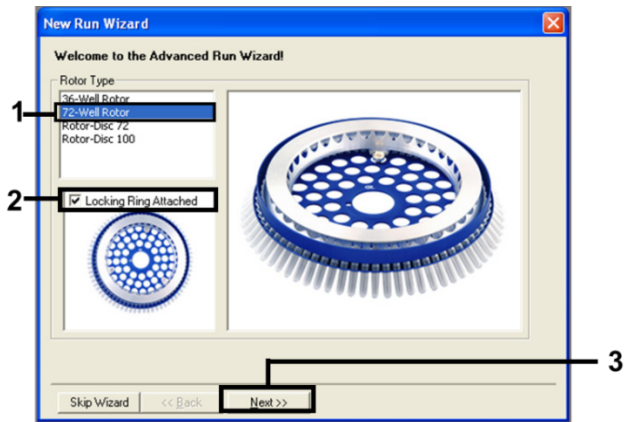
Protokolla: Rotor-Gene Q EGFR:n valmisteleminen

Jakson parametrit on esitetty taulukossa 4.

Taulukko 4. Jakson parametrit

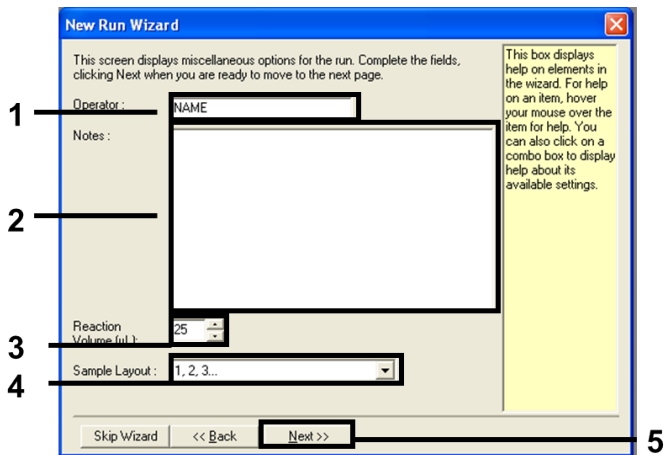
Jaksot	Lämpötila	Time (Aika)	Tiedonkeruu
1	95 °C	15 minuuttia	Ei mitään
40	95 °C	30 sekuntia	Ei mitään
	60 °C	60 sekuntia	Green ja Yellow

1. Kaksoisnapsauta Rotor-Gene Q Series Software 2.3 -ohjelmistokuvaketta Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteeseen liitetyn kannettavan tietokoneen työpöydällä. Valitse näkyviin tulevasta New Run (Uusi ajo) -valintaikkunasta Advanced (Lisäasetukset) -välilehti.
2. Luo uusi malli valitsemalla Empty Run (Tyhjä ajo) ja sitten New (Uusi).
New Run Wizard (Uuden ajon asetusohjelma) -ikkuna avautuu.
3. Valitse roottorityypiksi 72-Well Rotor (72-kuoppainen roottori). Varmista, että lukitusrengas on paikallaan ja laita rasti Locking Ring Attached (Lukkorengas kiinnitetty) -valintaruutuun. Valitse Next (Seuraava) (kuva 1).



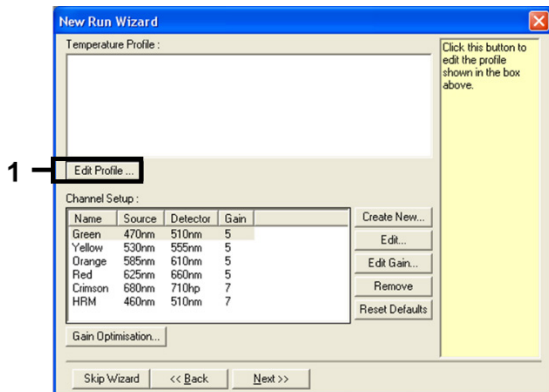
Kuva 1. New Run Wizard (Uuden ajon asetusohjelma) -valintaruutu.

4. Anna testaajan nimi Operator (Käyttäjä) -kenttään. Kirjaa mahdolliset huomautukset ja määritä Reaction Volume (Reaktion määrä) -kentän arvoksi 25. Varmista, että Sample Layout (Näyteasettelu) -kentän arvot ovat 1, 2, 3.... Valitse Next (Seuraava) (kuva 2).



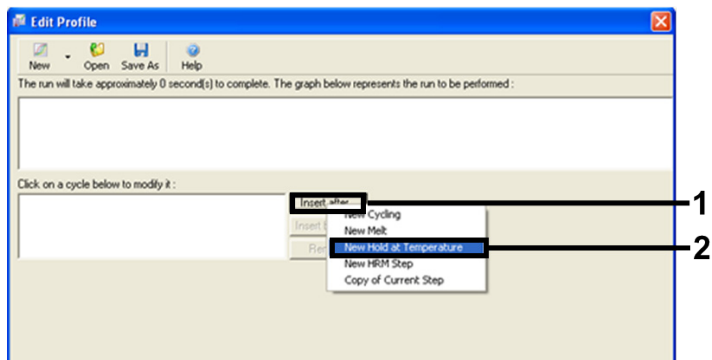
Kuva 2. Testaajan nimen ja reaktiomäärän antaminen.

5. Napsauta New Run Wizard (Uuden ajon asetusohjelma) -ikkunassa Edit Profile (Muokkaa profiilia) -painiketta (kuva 3) ja aseta ajon parametrit seuraavien vaiheiden mukaisesti.



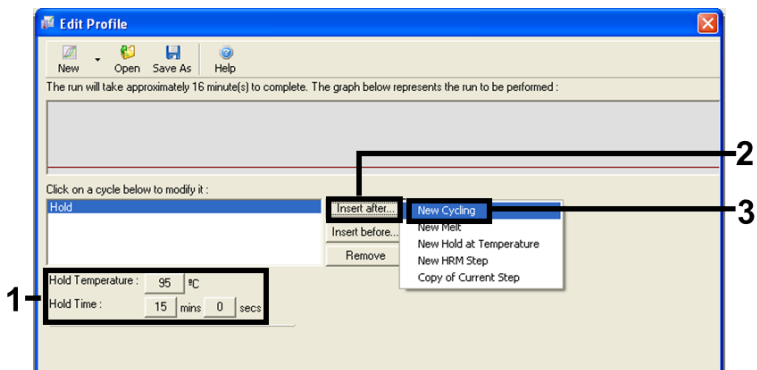
Kuva 3. Profiilin muokkaus.

6. Napsauta Insert after (Syötä seuraavan jälkeen) -painiketta ja valitse kohta New Hold at Temperature (Uusi pito lämpötilassa) (kuva 4).



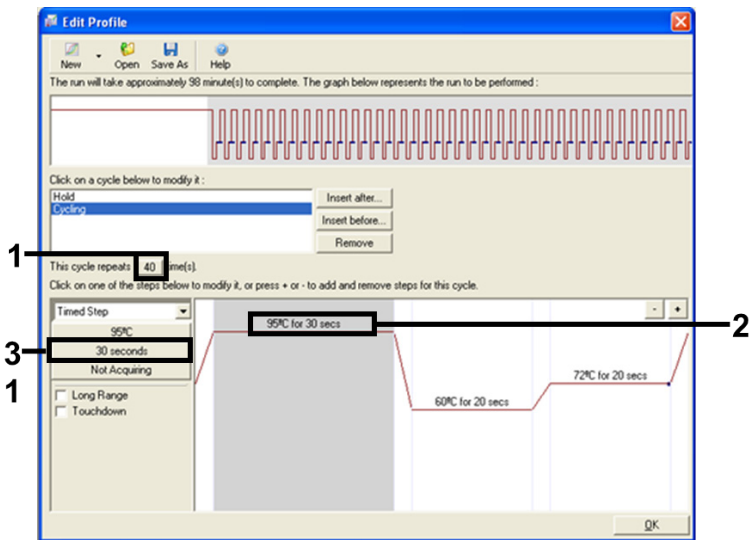
Kuva 4. Alun inkubointivaiheen määrittäminen.

7. Aseta Hold Temperature (Pitolämpötila) -kentän arvoksi 95°C ja Hold Time (Pitoaika) -arvoksi 15 mins 0 secs (15 minuuttia 0 sekuntia). Napsauta Insert After (Syötä seuraavan jälkeen) -painiketta ja valitse kohta New Cycling (Uusi jakso) (kuva 5).



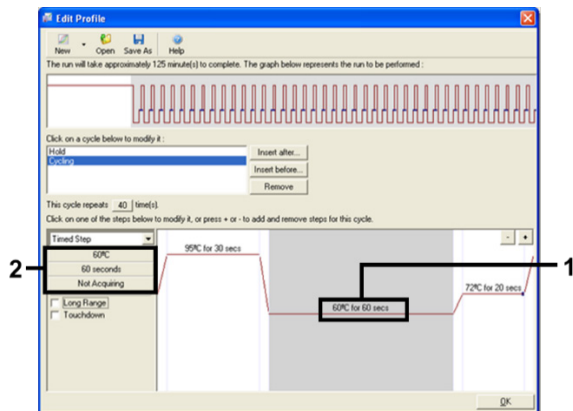
Kuva 5. Alkuinkubaatio 95 °C:ssa.

8. Vaihda jakson toistojen määräksi 40. Valitse ensimmäinen vaihe ja asetukseksi 95 °C 30 sekunnin ajan (kuva 6).



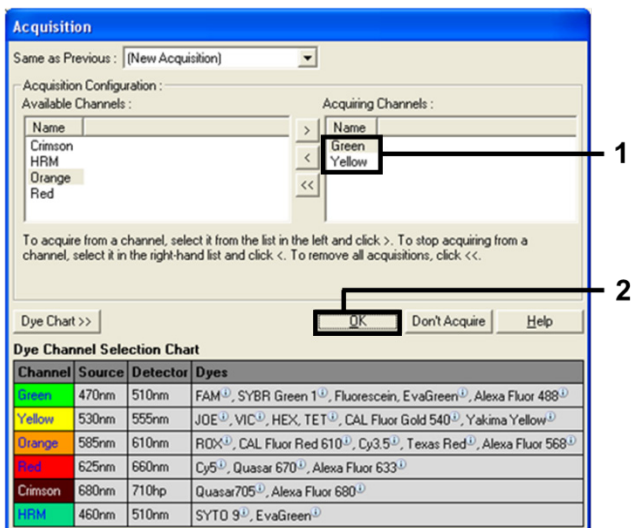
Kuva 6. Käsittelyjakso 95 °C:ssa.

9. Korosta toinen vaihe ja asetukseksi 60 °C for 60 secs (60 °C 60 sekunnin ajan). Ota tiedonkeruu käyttöön tämän vaiheen aikana valitsemalla Not Acquiring (Ei kerää). (Kuva 7.)



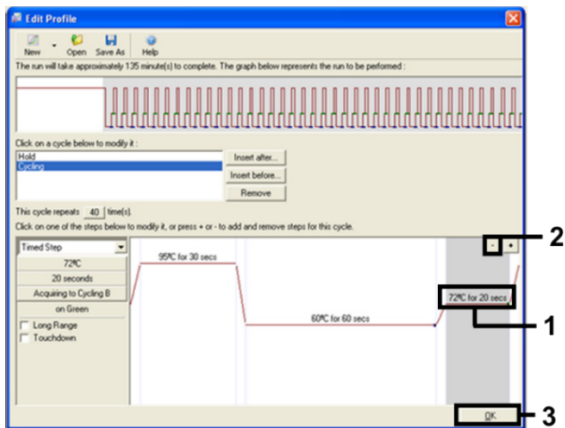
Kuva 7. Käsittelyjakso 60 °C:ssa.

10. Valitse Available Channels (Käytettävissä olevat kanavat) -luettelosta Green ja Yellow ja siirrä ne sitten Acquiring Channels (Hankintakanavat) -luetteloon valitsemalla >. Valitse OK (kuva 8).



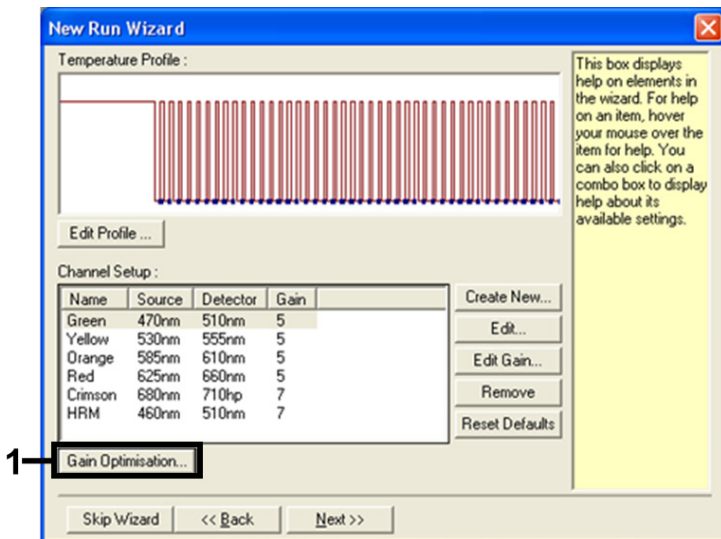
Kuva 8. Keräysjakso 60 °C:ssa.

11. Korosta kolmas vaihe ja poista napsauttamalla painiketta -. Valitse OK (kuva 9).



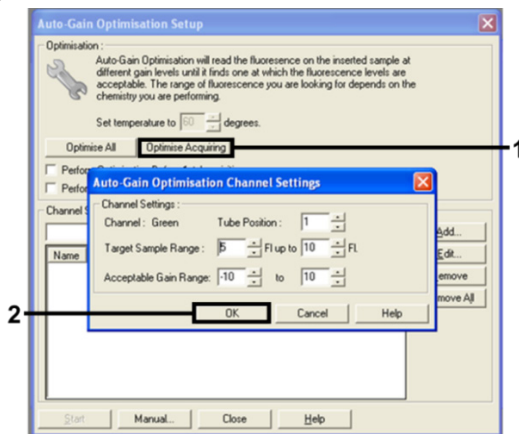
Kuva 9. Laajennusvaiheen poistaminen.

12. Napsauta seuraavassa valintaikkunassa Gain Optimisation (Vahvistuksen optimointi) -painiketta (kuva 10).



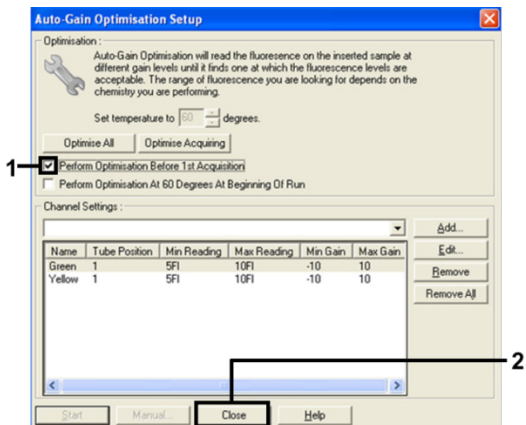
Kuva 10. Gain optimization (Vahvistuksen optimointi).

13. Valitse Optimise Acquiring (Optimoi keräys). Kanavan asetukset näkyvät kustakin kanavasta. Hyväksy nämä oletusarvot molemmille kanaville valitsemalla OK. (Kuva 11.)



Kuva 11. Green-kanavan poiminnan automaattinen optimointi.

14. Valitse Perform Optimisation before 1st Acquisition (Suorita optimointi ennen 1. keruuta) -valintaruutu ja palaa ohjattuun toimintoon napsauttamalla Close (Sulje) -painiketta (kuva 12).



Kuva 12. Green- ja Yellow-kanavan valinta.

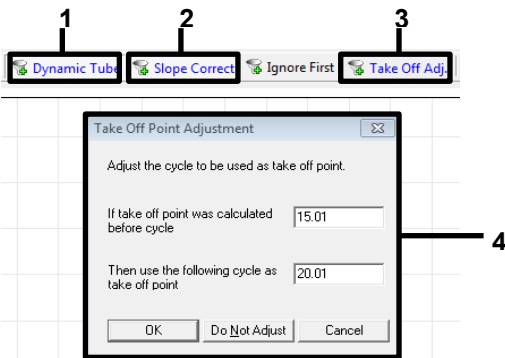
15. Napsauta Next (Seuraava) -painiketta ja tallenna malli haluamaasi sijaintiin valitsemalla Save Template (Tallenna malli).

Mutaation arviointitietojen analyysi

Ajon valmistumisen jälkeen tiedot on analysoitava seuraavasti.

Ohjelmiston analyysin määrittäminen

1. Avaa tarvittava tiedosto Rotor-Gene Q Series Software 2.3.5 -ohjelmistolla tai tätä uudemmalla ohjelmistoversiolla.
2. Jos näytteitä ei ole nimetty ennen ajon suorittamista, valitse Edit Samples (Muokkaa näytteitä).
3. Anna näytteille nimet Name (Nimi) -sarakkeessa.
Huomautus: jätä tyhjiä kuoppien nimet tyhjiksi.
4. Valitse Analysis (Analyysi). Valitse analyysisivulla Cycling A Yellow, jos haluat tarkastella HEX-kanavaa.
5. Tarkista, että Dynamic Tube (Dynaaminen putki) on korostettu. Valitse Slope Correct (Kulmakertoimen korjaus) ja Linear scale (Lineaarinen asteikko).
6. Valitse Take Off Adj (Poista viereinen) ja kirjoita 15.01 ja 20.01 kuten kuvassa 13.



Kuva 13. EGFR-analyysin normalisointiasetukset. 1 = dynaaminen putki, 2 = kulmakerroin oikein, 3 = poista viereinen, 4 = poista viereinen -valintaikkuna ja parametrien arvot.

7. Aseta kynnsarvoksi 0.02 ja tarkista HEX C_T -arvot.
8. Valitse analyysisivulla Cycling A, Green, jos haluat tarkastella FAM-kanavaa. Määritä parametrit kuvan 13 mukaisesti.
Dynaamisen putken pitäisi olla korostettu.

9. Valitse Slope Correct (Kulmakertoimen korjaus) ja Linear scale (Lineaarinen asteikko).
10. Aseta kynnsarvoksi 0.075 ja tarkista FAM C_T-arvot.

Ajon kontrollin analyysi

Kun ajo on suoritettu loppuun, analysoi tiedot seuraavasti.

- **Negatiivinen kontrolli:** Mallin kontaminoitumisen estämiseksi NTC ei saa tuottaa alle 40:n C_T-arvoa vihreässä (FAM) kanavassa. Jotta voisit varmistaa, että ajo on määritetty oikein, NTC:ssä täytyy näkyä monistusta alueella 29,85–35,84 keltaisessa (HEX) kanavassa (sisäinen kontrolli).

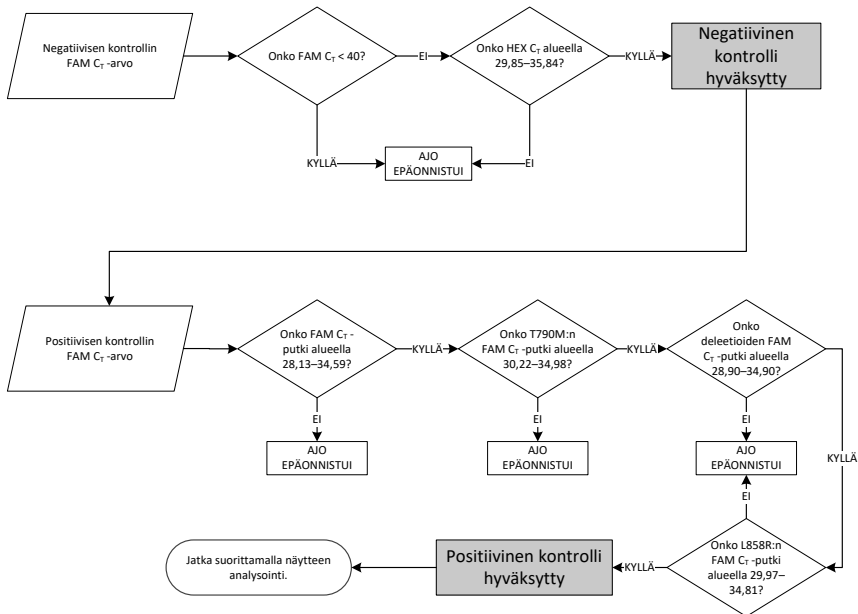
Jos vihreässä kanavassa on positiivista monistusta ja/tai monistus on alueen 29,85–35,84 ulkopuolella keltaisessa kanavassa, ajo on epäkelpo.

- **Positiivinen kontrolli:** EGFR:n positiivisen kontrollin (Positive Control, PC) on annettava C_T-arvo jokaisesta reaktioseoksesta sekä raja-arvoista, jotka on annettu taulukossa 5. Ajo, jossa on positiivinen kontrolliarvo tämän alueen ulkopuolella, on merkki määrittelyn valmistelun ongelmasta, ja ajo on määritettävä epäkelvoksi. Jos positiivinen kontrolli antaa C_T-arvon alueen sisällä (FAM), mutta sisäisen kontrollin C_T (HEX) on alueen 29,85–35,84 ulkopuolella, jatka analyysiä.

Huomautus: näytteen tietoja ei saa käyttää, jos jompikumpi näistä kontrolleista on epäonnistunut.

Taulukko 5. Ajon kontrollien hyväksyttävä C_T-alue.

Reaktion kontrolli	Määrittys	Kanava	C _T -alue
Positiivinen kontrolli	Kontrolli	Green (FAM)	28,13-34,59
	T790M	Green (FAM)	30,22-34,98
	Deleetiot	Green (FAM)	28,90-34,90
	L858R	Green (FAM)	29,97-34,81
Malliton kontrolli	Kaiikki neljä reaktioseosta	Green (FAM)	≥ 40,00
	Kaiikki neljä reaktioseosta	Yellow (HEX)	29,85-35,84



Kuva 14. Ajon kontrollin analyysin työvaiheet.

Kun molemmat kontrollit ovat hyväksyttäviä, jokaisen näytteen CT-arvon on oltava vihreässä (FAM Taulukko 6) kanavassa alueella 23,70–31,10.

Taulukko 6. Näytteen kontrollireaktion hyväksyttävä FAM C_t-alue

Reaktioseos	Kanava	Hyväksyttävä C _t -alue
Kontrolli	Green (FAM)	23,70–31,10

Jos näyte on tämän alueen ulkopuolella, toimi jäljempänä esitettyjen ohjeiden mukaan.

- Näytteen kontrollimääritys C_t < 23,70: Näytteet, joiden kontrollin C_t-arvo on < 23,70, ylikuormittavat mutaatiomäärityksiä, ja ne on laimennettava. Jotta vähäinen mutaatio voidaan havaita, liian konsentroituja näytteitä on laimennettava siten, että niiden pitoisuus on sallitun alueen rajojen sisäpuolella, jolloin laimennus puolella nostaa C_t-arvoa yhdellä numerolla.

- Näytteen kontrollimääritys $C_T > 31,10$: Näyte ei sisällä riittävää DNA-määrää analyysiä varten.

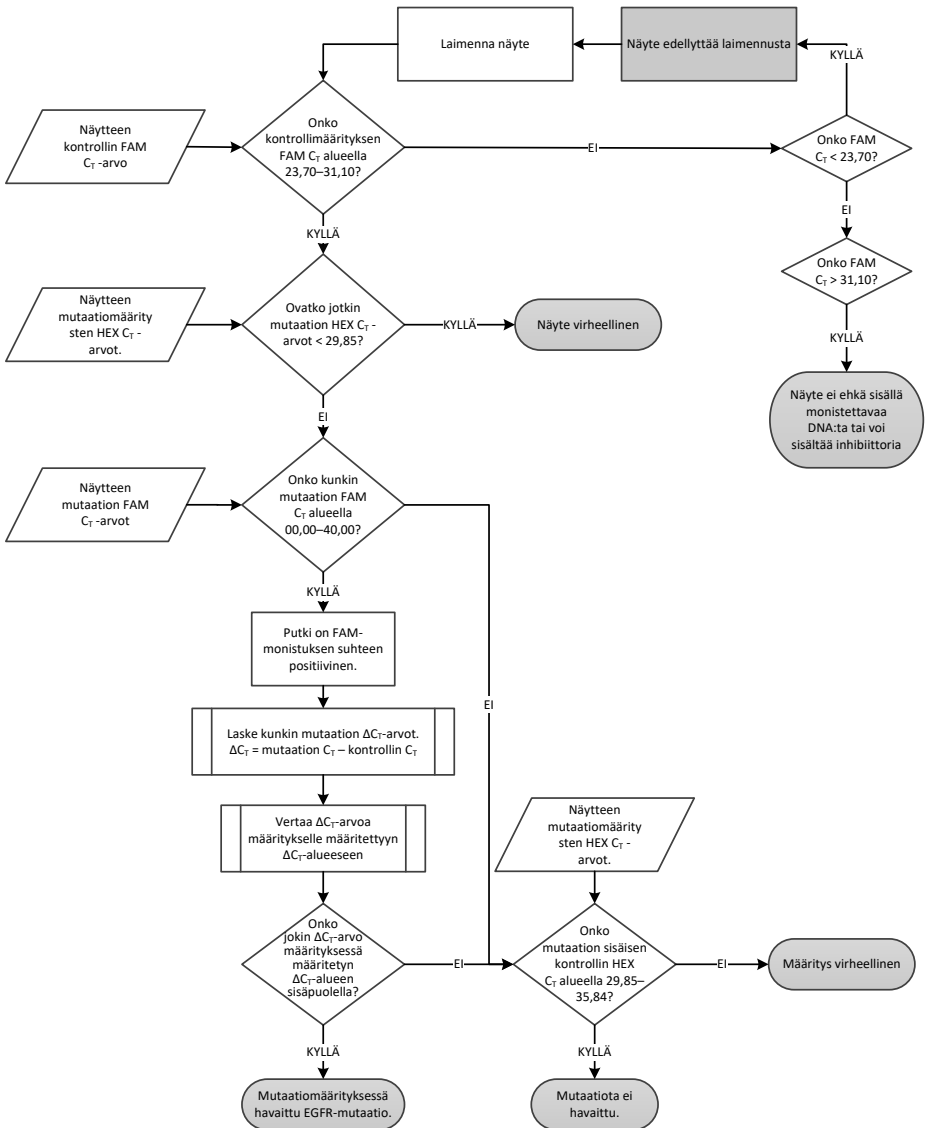
Kun molemmat ajon kontrollit ovat hyväksyttäviä ja kontrollimääritys on taulukossa 6 mainitulla alueella, jokaisen näytteen mutaation C_T -arvon on oltava taulukossa 7 määritetyllä alueella vihreässä (FAM) kanavassa. Jos näyte on tämän alueen ulkopuolella, toimi jäljempänä esitettyjen ohjeiden mukaan.

Taulukko 7. Hyväksyttävät näytteen mutaation reaktioarvot

Reaktio	Reaktioseos	Kanava	C_T -alue
Mutaatioreaktio	T790M	Green (FAM)	0,00-40,00
	Deleetiot	Green (FAM)	0,00-40,00
	L858R	Green (FAM)	0,00-40,00
	Kaikki kolme mutaatiota	Yellow (HEX)	29,85-35,84

Huomautus: jos näyte ei tuota C_T -arvoa (ts. $C_T > 40$), se voi johtua inhibiittorin läsnäolosta, määrittelyn valmistelun virheestä tai siitä, ettei monistettavaa EGFR DNA:ta ole.

- Sisäisen kontrollin C_T -arvo on välillä 29,85–35,84: Monistettavaa EGFR DNA:ta ei ole.
- Sisäisen kontrollin C_T -arvo ei ole välillä 29,85–35,84: Tämä voi olla merkki määrittelyn valmistelun virheestä tai inhibiittorin läsnäolosta. On mahdollista vähentää inhibiittorin vaikutusta laimentamalla näytettä, vaikka se laimentaa myös DNA:n.



Kuva 15. Mutaation analyysin vaihekaavio.

Näytteen mutaatiomäärittysten FAM C_T -arvot.

FAM-arvot kaikille kolmelle mutaatioreaktioseokselle on tarkistettava taulukossa 8 esitettyjen arvojen avulla.

Laske ΔC_T -raja-arvo kaikille monistuspositiivisille mutaatioputkille alla esitettyllä tavalla varmistaen, että mutaation ja kontrollin C_T-arvot ovat peräisin samasta näytteestä.

$$\Delta C_T = \text{mutaation } C_T - \text{kontrollin } C_T$$

Vertaa näytteen ΔC_T -arvoa kyseisen määrittelyn ΔC_T -raja-arvoalueeseen (taulukko 8) varmistaen, että kuhunkin määrittelyyn käytetään oikeaa raja-arvoa.

Taulukko 8. Mutaatiomäärittelyn ΔC_T -raja-arvoalue

Mutaatiomäärittely	ΔC_T -raja-arvoalue
T790M	-10,00 ≥ ... ≤ 7,40
Deleetiot	-10,00 ≥ ... ≤ 8,00
L858R	-10,00 ≥ ... ≤ 8,90

ΔC_T -raja-arvoalueen yläraja on arvo, jonka ylittävä positiivinen signaali voi johtua villityypin DNA:n ARMS-alkueen taustasignaalista. Jos näytteen ΔC_T -arvo on korkeampi kuin ΔC_T -raja-arvoalue, sen luokituksiksi määritetään Mutation not detected (Mutaatiota ei havaittu) tai se merkitään sarjan havaitsemisrajojen ulkopuolella olevaksi. Jos näytteen arvo on ΔC_T -raja-arvojen sisällä, määrittely tunnistaa näytteen sisältävän mutaation. Jos näytteen arvo on matalampi kuin ΔC_T -raja-arvoalueen alaraja, syynä voivat olla fluoresenssiartefaktit.

Huomautus: Jos näytteessä ei ilmene FAM-mutaation C_T-arvoa, sisäisen kontrollin (HEX) C_T-arvo on arvioitava, jotta voidaan määrittää, onko mutaatio jäänyt havaitsematta vai onko määrittely virheellinen. Jos HEX C_T-arvo on välillä 29,85–35,84, mutaatiota ei ole tunnistettu. Jos HEX ΔC_T -raja-arvo on tämän alueen ulkopuolella, näyte on epäkelvo.

Jokaisen näytteen kohdalla jokaiselle mutaatioreaktiolle annetaan status havaitun mutaation perusteella: mutaatio havaittu, mutaatiota ei havaittu tai virheellinen alla esitettyjen kriteerien mukaisesti.

- Mutaatio havaittu: FAM-monistus on positiivinen ja ΔC_T on ΔC_T -raja-arvoalueella. Jos määrittely havaitsee useita mutaatioita, kaikki voidaan raportoida.
- Mutaatiota ei havaittu:
 - FAM-monistus on positiivinen ja ΔC_T -raja-arvo on ΔC_T -raja-alueen yläpuolella ja HEX (sisäinen kontrolli) on alueella 29,85–35,84.
 - FAM-monistus on negatiivinen ja HEX (sisäinen kontrolli) on alueella 29,85–35,84.
- Virheellinen: FAM-monistus on negatiivinen ja HEX-monistus määrittysten ulkopuolella.
 - Laskettu ΔC_T on matalampi kuin ΔC_T -raja-arvoalueen alaraja ja HEX (sisäinen kontrolli) on odotetulla alueella. ΔC_T -arvo, joka on matalampi kuin -10,00, on merkki siitä, että fluoresenssiartefakti on voinut vaikuttaa tulokseen.

Vianmääritysopas

Tämä vianmääritysopas voi auttaa mahdollisissa esiin tulevissa ongelmissa. Katso myös usein kysytyjä kysymyksiä (Frequently Asked Questions, FAQ) teknisen tuen sivulta: www.qiagen.com/FAQ/FAQList.aspx. QIAGENin teknisen palvelun asiantuntijat vastaavat aina mielellään kysymyksiisi koskivatpa ne sitten tämän käsikirjan tietoja tai tässä käsikirjassa esiteltyjä protokollia tai näytteisiin ja määrityksiin liittyviä tekniikoita. (Katso yhteystiedot tämän käsikirjan takakannesta tai osoitteesta www.qiagen.com.)

Huomautuksia ja ehdotuksia

EGFR-positiivisen kontrollin (Positive Control, PC) signaalittomuus Cycling Green -fluoresenssikanavassa

- | | |
|---|---|
| a) PCR-tietojen analysointia varten valittu fluoresenssikanava ei ole yhdenmukainen protokollan kanssa. | Tietojen analysoimisessa pitää valita Cycling Green -fluoresenssikanava analyttistä EGFR:n PCR:ää varten ja Cycling Yellow -fluoresenssikanava sisäisen kontrollin PCR:ää varten. |
| b) Rotor Gene Q MDx 5plex HRM -laitteen lämpötilaprofiilin virheellinen ohjelmointi | Vertaa lämpötilaprofiilia protokollaan ja jos se on väärä, toista ajo. |
| c) PCR on konfiguroitu väärin | Tarkista, noudattavatko työskentelyvaiheesi pipetointitapaa ja toista PCR tarvittaessa. |
| d) Yhden tai useamman sarjan osan säilytysolosuhteet eivät vastanneet kohdassa Reagenssien säilytys ja käsittely (sivulla 14) annettuja ohjeita | Tarkista reagenssien säilytysolosuhteet ja viimeinen käyttöpäivämäärä (katso sarjan etiketti). Käytä tarvittaessa uutta sarjaa. |
| e) <i>therascreen</i> EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja on vanhentunut. | Tarkista reagenssien säilytysolosuhteet ja viimeinen käyttöpäivämäärä (katso sarjan etiketti). Käytä tarvittaessa uutta sarjaa. |

Huomautuksia ja ehdotuksia

Negatiivisten kontrollien signaaleja analyttisen PCR:n fluoresenssikanavassa ja Cycling Green -kanavassa

- a) PCR:n valmistelun aikana tapahtui kontaminaatio
- Toista PCR uusilla reagensseilla replikaateissa.
Jos mahdollista, sulje PCR-putket heti testattavan näytteen lisäämisen jälkeen.
Varmista, että työskentelytila ja laitteet dekontaminoidaan säännöllisesti.

Useiden rajojen ylittäminen tai ΔC_T -arvo raja-arvoalueen alapuolella

- a) Virheellinen sekoitus määrityksen valmistelun aikana
- Toista PCR, jos kontrolli tai uusintatestaus hylkää näytteen tämän virheen takia.
Noudata käyttöohjeita, noudata sekoituksen vaiheita erityisen tarkasti.

Laadunvalvonta

QIAGENin ISO-sertifioidun laadunvarmistusjärjestelmän mukaisesti jokainen *therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit* -sarjan erä testataan määrättyjen vaatimusten mukaisesti tuotteiden yhdenmukaisen laadun takaamiseksi.

Rajoitukset

Tuotteella saatujen tulosten tulkinnessa on otettava huomioon kaikki asianmukaiset kliinisten löydökset ja laboratoriolöydökset, eikä diagnoosia saa tehdä yksin testitulosten pohjalta.

Tätä tuotetta saavat käyttää ainoastaan henkilöt, jotka ovat saaneet erityisopastuksen ja -koulutuksen *in vitro* -diagnostisiin toimenpiteisiin ja Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteen käyttöön.

Analyttisissä hyväksyntätutkimuksissa käytettiin plasmanäytteistä eristettyä ihmisen DNA:ta.

Tuote on tarkoitettu käytettäväksi vain Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM -laitteen real-time PCR-laitteessa.

Optimaalisten tulosten saavuttaminen edellyttää kaikkien *therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit* -sarjan käsikirjassa annettujen ohjeiden huolellista noudattamista. Reagenssien muu kuin tässä käsikirjassa määritetty laimentaminen ei ole suositeltavaa, ja se johtaa suorituskyvyn heikkenemiseen.

Kaikki kaikkien osien pakkauksiin ja etiketteihin painetut viimeistä käyttöpäivää ja säilytystä koskevat ohjeet on huomioitava. Älä käytä vanhentuneita tai virheellisesti säilytettyjä komponentteja.

EGFR-deleetioreaktioseoksen alukkeet on suunniteltu kohdistumaan useisiin eksonin 19 deleetioihin, jotka kattavat nukleotidit 55174772–55174795 (GRCh38 chr7), 23 emäsparin alue.

Kun eksonin 19 deleetiomääritys on analyttisesti validoitu ja sen on osoitettu tunnistavan määritetyt deleetiot eksonissa 19 (katso taulukko 13 tässä käsikirjassa), on kuitenkin mahdollista, että deleetioreaktioseos monistaa lisämutaatioita (mukaan lukien mm. ylimääräisiä eksonin 19 deleetioita, eksonin 19 insertioita ja L747P-mutaation).

Mikäli näitä lisämutaatioita ilmenee, ne aiheuttavat Deletions Detected (Deleetioita tunnistettu) -tuloksen tietystä potilasnäytteestä.

Lisäksi on mahdollista, että L858R Reaction Mix -reaktioseos tunnistaa L858Q-mutaation. Jos L858Q-mutaatiota esiintyy potilasnäytteessä, tuloksena voi siis olla L858R Mutation Detected (L858R-mutaatio tunnistettu).

Suorituskykyominaisuudet

Analyttinen herkkyys – tyhjän raja (LOB-raja)

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan suorituskyvyn arvioimiseksi mallin puuttuessa sekä sen varmistamiseksi, että tyhjä näyte tai villityypin DNA:ta sisältävä näyte ei tuota pienen pitoisuuden mutaatiota ilmaisevaa analyttistä signaalia, NSCLC-potilaan plasmanäytteen villityypin EGFR DNA arvioitiin 59 näytteestä. Tutkimuksen hyväksyntäkriteerit (vähintään 95 %:ssa villityypin näytteistä täytyy olla ΔC_T -raja-arvo asianomaisen rajan yläpuolella) täyttyivät.

Havaitsemisraja (Limit of Detection, LOD)

LOD on vähimmäisprosentti mutatoitunutta DNA:ta, joka voidaan havaita villityypin tausta-DNA:sta, kun kaikki monistettava DNA (syöttöalueella) tuotti oikeat mutaatiotulokset 95 %:ssa kustakin mutaation sisältävästä näytteestä (C95). Määrityksen lähtö-DNA-työskentelyalueen määrittää kontrollin C_T -arvo esimääritetyllä alueella 23,70–31,10.

LOD määritettiin matalilla lähtö-DNA:n (kontrollin C_T noin 30,10) tasoilla käyttämällä FFPE-kudoksesta saatua DNA:ta ja *therascreen* EGFR RGQ PCR Kit -sarjaa. LOD määritettiin käyttämällä sekä kliinisiä FFPE-näytteitä että FFPE-solulinjoja näiden EGFR-mutaatioiden matalilla lähtö-DNA:n tasoilla.

FFPE-kudoksen avulla määritetyt LOD-arvot *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR -sarjalle tarkistettiin DNA:lla, joka oli saatu keinotekoisista mutaation sisältävistä plasmanäytteistä.

Taulukossa 9 seuraavalla sivulla luetellut lopulliset LOD-väitteet osoittavat mutaatioprosentin, joka tuotti ennustetun oikeiden tulosten todennäköisyyden, 95 % kullekin mutaatiolle.

Taulukko 9. Kunkin EGFR-mutaatiomäärityksen LOD-arvot

Eksoni	Mutaatio	COSMIC-tunniste*	% LOD -väite
20	T790M	6240	17,5*
		6223	6,4*
		13551	4,24*
		12728	2,43 [†]
		12419	16,87 [†]
		12422	3,24 [†]
		6218	9,83 [†]
		6210	7,44 [†]
		6254	10,2*
		12370	8,1*
19	Deleetiot	12678	10,40 [†]
		12367	4,39 [†]
		12384	7,54 [†]
		6225	6,5*
		6220	2,7*
		6255	0,81*
		12382	1,45*
		12383	4,58*
21	L858R	12387	4,91 [†]
		12369	4,94*
		6224	5,94*

* LOD-väitteet on vahvistettu plasmalla osana *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan LOD-arvon vahvistustutkimusta.

[†] Näitä mutaatioita ei vahvistettu plasmasta.

Analyttinen herkkyys – ΔC_T -rajat ja ΔC_T -raja-arvoalueet

Virheellisten positiivisten tulosten asteissa käytettiin riskiin perustuvaa lähestymistapaa määrityksen raja-arvojen määrittämiseen, ja arvioituja LOB-arvoja käytettiin yhtenä raja-arvojen kehittämisen osatekijänä.

therascreen EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan kunkin mutaatiomäärityksen ΔC_T -raja-arvot on esitetty taulukossa 10.

Taulukko 10. *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan ΔC_T -raja-arvoalueet

Mutaatiomääritys	ΔC_T -raja-arvoalue
T790M	$-10,00 \geq \dots \leq 7,40$
Deleetio	$-10,00 \geq \dots \leq 8,00$
L858R	$-10,00 \geq \dots \leq 8,90$

Toistettavuus ja uusittavuus

Toistettavuus ja uusittavuus arvioitiin testaamalla mutaatiotaso $3 \times \text{LOD}$ -arvolla taustan villityypin genomisesta DNA:sta kolmella tutkimuspaikalla käyttämällä useita sarjan eriä, käyttäjiä ja ajoja eri päivinä sekä kahta replikaattia kustakin näytteestä. Kaikista kolmesta mutaatiomäärityksestä 100 % mutaation sisältävistä DNA-näytteistä tunnistettiin mutaatioposiivisiksi. Villityypin näytteiden testitulokset olivat mutaationegatiivisia kaikissa määrityksissä kaikissa tutkimuspaikoissa.

Lähtö-DNA:n vaikutus C_T -arvoihin

DNA-lähtötaso on monistettavan EGFR DNA:n kokonaismäärä näytteessä kontrollireaktion C_T -arvoilla määritettynä. Jotta voitiin osoittaa, että *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan suorituskyky on yhdenmukainen koko kontrollireaktion C_T -alueella (23,70–31,10), kaikki kolme EGFR-mutaatiomääritystä testattiin kuusipisteisellä 1-in-3-laimennussarjalla (DNA eristetty FFPE-solulinjoista). Kunkin mutaation ensimmäisen laimennuksen C_T -tavoitearvo oli noin 24,70.

Lopullinen laimennus, joka antoi C_T -arvoksi noin 32–33, oli kontrollireaktion C_T -alueen ulkopuolella. Eri DNA-kokonaislähtöasoilla mitatut ΔC_T -arvot olivat yleensä yhdenmukaisia *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan työskentelyalueella.

Häiritsevät aineet

Endogeeniset häiritsevät aineet

Mahdollisesti häiritsevät aineet lisättiin keinotekoisesti 3xLOD-mutaatioposiitivisiin plasmanäytteisiin. Näytteet testattiin sen jälkeen *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjalla. Näytteitä, joissa oli mahdollisesti häiritseviä aineita, verrattiin keinotekoiseen 3xLOD-mutaatioposiitivisiin plasmanäytteisiin, joihin ei ollut lisätty häiritsevää ainetta. Kukin häiritsevä aine testattiin neljänä replikaattina.

Testin ja kontrollin ΔC_T -arvojen (ts. ei häiritsevää ainetta) välillä olevan > 2 keskihajonnan (Standard Deviation, SD) (edellisestä tutkimuksesta) suuruisen eron katsottiin ilmaisevan mahdollista häiriötä. Näissä tapauksissa on annettu havaittu ΔC_T -arvojen ero.

Taulukossa 11 annetut testipitoisuudet valittiin CLSI-ohjeen EP07-A2 perusteella, ja ne edustavat kliinisessä näytteessä odotettavissa olevia enimmäispitoisuuksia.

Huomautus: Nämä endogeeniset yhdisteet lisättiin keinotekoiseen mutaatioposiitivisiin plasmanäytteisiin, jotka koostuivat terveiden luovuttajien plasmasta. Tämän vuoksi nämä endogeeniset yhdisteet olisivat olleet luontaisesti läsnä näytteissä tuntemattomina pitoisuuksina ennen lisäystä. Kunkin mahdollisen endogeenisen häiritsevän aineen testattu lopullinen pitoisuus olisi todennäköisesti suurempi kuin testipitoisuus.

Taulukko 11. Mahdolliset häiritsevät endogeeniset aineet

Mahdolliset häiritsevät aineet (Interfering Substance, IS)	Testipitoisuus
Konjugoitumaton bilirubiini	15 mg/dl
Hemoglobiini (ihmisen)	0,2 g/dl
Triglyseridit	3 g/dl

T790M-määritys

Seuraavilla endogeenisillä yhdisteillä taulukossa 11 ilmoitettuna pitoisuuksina osoitettiin olevan $> 2 \times \text{SD}$:n vaikutus ($0,40 \Delta C_T$) T790M-määrityksen suorituskykyyn:

- Triglyseridit, ero $1,37 \Delta C_T$

Deleetiomääritys

Seuraavilla endogeenisillä yhdisteillä taulukossa 11 ilmoitettuna pitoisuuksina osoitettiin olevan $> 2 \times \text{SD}$:n vaikutus ($0,71 \Delta C_T$) deleetiomäärityksen suorituskykyyn:

- Hemoglobiini, ero $0,80 \Delta C_T$

L858R-määritys

Seuraavilla endogeenisillä yhdisteillä taulukossa 11 ilmoitettuna pitoisuuksina osoitettiin olevan $> 2 \times \text{SD}$:n vaikutus ($0,56 \Delta C_T$) L858R-määrityksen suorituskykyyn:

- Bilirubiini, ero $1,13 \Delta C_T$
- Triglyseridit, ero $1,53 \Delta C_T$

Eksogeeniset häiritsevät aineet

Mahdollisesti häiritsevät aineet lisättiin keinotekoisesti 3xLOD-mutaatioposiitivisiin plasmanäytteisiin. Näytteet testattiin sen jälkeen *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjalla. Näytteitä, joissa oli mahdollisesti häiritseviä aineita, verrattiin keinotekoiisiin 3xLOD-mutaatioposiitivisiin plasmanäytteisiin, joihin ei ollut lisätty häiritsevää ainetta. Kukin häiritsevä aine testattiin neljänä replikaattina.

Testin ja kontrollin ΔC_T -arvojen välillä (ts. ei häiritsevää ainetta) olevan $\Delta > 2$ keskihajonnan (edellisestä tutkimuksesta) suuruisen eron katsottiin ilmaisevan mahdollista häiriötä. Näissä tapauksissa on annettu havaittu ΔC_T -arvojen ero.

Taulukossa 12 annetut testipitoisuudet valittiin CLSI-ohjeen EPO7-A2 perusteella ja ne edustavat kaikissa tapauksissa terapeuttisen pitoisuuden ylämääriä.

Taulukko 12. Mahdolliset häiritsevät endogeeniset aineet

Mahdollinen häiritsevä aine (Interfering Substance, IS)	Testipitoisuus ($\mu\text{g/ml}$)
Sitalopraamihydrobromidi	0,75
Paroksetiinihydrokloridihemihydraatti	1,14
Sertraliinihydrokloridi	0,67
Fluoksetiinihydrokloridi	3,87
Asetaminofeni	200,7
K ₂ EDTA	3600

T790M-määritys

Seuraavilla eksogeenisillä yhdisteillä taulukossa 12 ilmoitettuina pitoisuuksina osoitettiin olevan $> 2 \times \text{SD:n}$ vaikutus ($0,40 \Delta C_T$) T790M-määrityksen suorituskykyyn:

- Sitalopraamihydrobromidi, ero $0,52 \Delta C_T$
- Sertraliinihydrokloridi, ero $0,47 \Delta C_T$
- Fluoksetiinihydrokloridi, ero $0,48 \Delta C_T$

Deleetiomääritys

Seuraavilla eksogeenisillä yhdisteillä taulukossa 12 ilmoitettuina pitoisuuksina osoitettiin olevan $> 2 \times \text{SD:n}$ vaikutus ($0,71 \Delta C_T$) deleetiomäärityksen suorituskykyyn:

- Fluoksetiini, ero $0,73 \Delta C_T$

L858R-määritys

Seuraavilla eksogeenisillä yhdisteillä taulukossa 12 ilmoitettuina pitoisuuksina osoitettiin olevan $> 2 \times \text{SD:n}$ vaikutus ($0,56 \Delta C_T$) L858R-määrityksen suorituskykyyn:

- Sitalopraamihydrobromidi, ero $0,72 \Delta C_T$
- Paroksetiinihydrokloridihemihydraatti, ero $0,92 \Delta C_T$
- Sertraliinihydrokloridi, ero $0,82 \Delta C_T$
- Fluoksetiinihydrokloridi, ero $0,98 \Delta C_T$
- Asetaminofeeni, ero $0,81 \Delta C_T$
- K_2 EDTA, ero $0,57 \Delta C_T$

Kliininen suorituskyky

Kliininen tutkimus NCT01203917 oli faasin IV avoin yhden tutkimusryhmän tutkimus, jolla arvioitiin ensilinjan gefitinibihoidon tehokkuutta ja turvallisuutta/siedettävyyttä valkoihoisilla potilailla, joilla oli vaiheen IIIA/B/IV, EGFR-mutaatiopositiivinen ei-pienisolainen keuhkosyöpä (Non-Small Cell Lung Cancer, NSCLC).

Potilaiden kelpoisuus kliiniseen NCT01203917-tutkimukseen määritettiin EGFR-herkistävien mutaatioiden esiintymisen perusteella. NSCLC-potilaiden EGFR-mutaatiotila arvioitiin käyttämällä kliinisen tutkimuksen määrittystä (Clinical Trial Assay, CTA) ja DNA:ta vastaavista kudos- ja plasmanäytteistä. Tutkimus koostui ennalta suunnitellusta biomarkerin tutkimustavoitteesta, jolla määritettiin, voitaisiinko plasmanäytteitä harkita mutaatioanalyysiä varten, jos kudoksenäytteitä ei ollut saatavilla. Tulokset osoittivat korkeaa 94,3 %:n yhdenmukaisuusastetta vastaavien kudos- ja plasmanäytteiden välillä määrittämisen spesifisyyden ollessa 99,8 % ja herkkyuden ollessa 65,7 %.

NCT01203917-tutkimukseen otettujen potilaiden plasmanäytteiden myöhempi testaus tehtiin käyttämällä *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjaa. Yhdistävällä tutkimuksella arvioitiin *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan yhdenmukaisuutta sen CTA:n kanssa, jolla potilaat valikoitiin kliiniseen NCT01203917-tutkimukseen. CTA:n ja *therascreen* EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjan välinen vastaavuus osoitettiin.

Lähdeviitteet













1. Douillard, J.Y., et al. (2014). First-line gefitinib in Caucasian EGFR mutation-positive NSCLC patients: a phase-IV, open-label, single-arm study. *Br J Cancer* 110(1), 55.
2. Walsh, K., et. al. (2014) A cautionary lesson on the use of targeted methods for EGFR mutation analysis; a case report. *J. Clin. Pathol.* 67, 734
3. Huang, J., Wang, Y., Zhai, Y., and Wang, J. (2018) Non-small cell lung cancer harboring a rare EGFR L747P mutation showing intrinsic resistance to both gefinitib and osimertinib (AZD9291): A case report. *Thorac. Cancer.* 9, 745

Yhteystiedot

Jos tarvitset teknistä neuvontaa tai lisätietoja, käy teknisen tuen sivuilla osoitteessa www.qiagen.com/Support, soita ilmaisnumeroon 00800-22-44-6000 tai ota yhteyttä johonkin QIAGENin teknisen palvelun osastoon tai paikalliseen jälleenmyyjään (ks. takakansi tai käy osoitteessa www.qiagen.com).

Symbolit

Käyttöohjeessa tai pakkauksessa ja etiketeissä saattaa näkyä seuraavia symboleita:

Symboli	Selitys
 Σ <N>	Sisältää reagensseja, jotka riittävät <N> reaktioon
	Viimeinen käyttöpäivämäärä
	In vitro -diagnostinen lääketieteellinen laite
	Tuotenumero
	Eränumero
	Materiaalinumero (ts. komponentin merkintä)
	Komponentit
	Sisältö
	Numero
	GTIN-numero
Rn	R tarkoittaa käyttöohjeiden versiota ja n on versionumero
	Lämpötilarajoitus
	Valmistaja

Symboli

Selitys



Katso käyttöohjeet



Varoitus/huomio

Liite A: Mutaatiotiedot

Taulukossa 13 on osoitettu Catalogue of Somatic Mutations in Cancer -luettelosta (www.sanger.ac.uk/genetics/CGP/cosmic) otetut COSMIC-tunnisteet.

Taulukko 13. Mutaatioluettelo ja COSMIC-tunnisteet

Mutaatio	Eksoni	Emäsjärjestyksen muutos	COSMIC-tunniste
T790M	20	2369C>T	6240
L858R	21	2573T>G	6224
		2235_2249del15	6223
		2235_2252>AAT (kompleksi)	13551
		2236_2253del18	12728
		2237_2251del15	12678
		2237_2254del18	12367
		2237_2255>T (kompleksi)	12384
		2236_2250del15	6225
		2238_2255del18	6220
		2238_2248>GC (kompleksi)	12422
Deleetiot	19	2238_2252>GCA (kompleksi)	12419
		2239_2247del9	6218
		2239_2253del15	6254
		2239_2256del18	6255
		2239_2248TTAAGAGAAG>C (kompleksi)	12382
		2239_2258>CA (kompleksi)	12387
		2240_2251del12	6210
		2240_2257del18	12370
		2240_2254del15	12369
		2239_2251>C (kompleksi)	12383

Tilaustiedot

Tuote	Sisältö	Tuotenro
<i>therascreen</i> EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarja – EGFR-geenin mutaatioiden havaitsemiseen		
<i>therascreen</i> EGFR Plasma RGQ PCR Kit (24)	24 reaktioon: 1 kontrollimääritys, 7 mutaatiomääritystä, positiivinen kontrolli, Taq DNA -polymeraasi	870311
Rotor-Gene Q MDx ja lisävarusteet		
Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM System	Real-time PCR-jakso ja HRM-analysaattori, jossa on 5 kanavaa (vihreä, keltainen, oranssi, punainen ja viininpunainen) sekä HRM-kanava, kannettava tietokone, ohjelmisto ja varusteet: sisältää 1 vuoden takuun osien rikkoutumisen ja valmistusvirheiden varalta, ei sis. asennusta ja koulutusta	9002033
Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM Platform	Real-time PCR -laite ja HRM-analysaattori, jossa on 5 kanavaa (vihreä, keltainen, oranssi, punainen ja viininpunainen) sekä HRM-kanava, kannettava tietokone, ohjelmisto ja varusteet: sisältää 1 vuoden takuun osien rikkoutumisen ja valmistusvirheiden varalta, asennuksen ja koulutuksen	9002032
Loading Block 72 x 0.1 ml Tubes	Alumiininen levy manuaaliseen reaktion valmisteluun yksikanavaisella pipetillä 72 kpl:ssa 0,1 ml:n putkia	9018901
Strip Tubes and Caps, 0.1 ml (250)	250 neljän putken ja korkin liuskaa, 1 000 reaktioon	981103

Tuote	Sisältö	Tuotenro
Strip Tubes and Caps, 0.1 ml (2500)	10 x 250 neljän putken ja korkin liuskaa, 10 000 reaktioon	981106
Liittyvät tuotteet		
QIAamp Circulating Nucleic Acid Kit	50 preparaatiota varten: QIAamp Mini -kolonneja, putkien jatkeita (20 ml), QIAGEN Proteinase K, kantaja-RNA, Buffers, VacConnectors ja Collection Tubes (1,5 ml ja 2 ml)	55114

Voimassa olevat lisenssitiedot ja tuotekohtaiset vastuuvapauslausekkeet ovat saatavilla tuotekohtaisista QIAGEN-sarjojen käyttöoppaista tai käsikirjoista. QIAGEN-sarjojen käsikirjat ja käyttöoppaat ovat saatavilla osoitteesta www.qiagen.com, tai niitä voi tiedustella QIAGENin teknisestä palvelusta tai paikalliselta jälleenmyyjältä.

Asiakirjan muutoshistoria

Versio

Kuvaus

R4, lokakuu 2019

Lainmukainen valmistaja vaihdettu (kansilehti)
Laitteen nimi vaihdettu laitteesta Rotor-Gene Q MDx laitteeksi Rotor-Gene Q MDx 5plex HRM tuote-etiketin mukaisesti
Korjattu reagenssien säilytysohjeet 90 päivästä 12 kuukauteen tai viimeiseen käyttöpäivään asti
Päivitetty Rajoitukset-osaan tiedot eksonin 19 deleetiomäärityksestä ja L858R-määrityksestä
Muutettu taulukko 9 korvaamaan kaksinkertaistuneen eksonin 21 L858R:n eksonin 19 deleetioilla
Poistettu EC + REP -symboli kansilehdeltä ja Symbolit-osasta

R5, heinäkuu 2020

Päivitetty viittaus RGQ-ohjelmistoversiosta 2.3 versioon 2.3.5 tai uudempaan.
Päivitetty taulukot 8 ja 10 uudella ΔC_T -raja-arvoalueella ja muokattu kaikkia asiaan liittyviä kuvauksia koko käsikirjassa.
Päivitetty kaikkiin protokollalukuihin tietoja oikean sekoituksen tärkeydestä lisäämällä tieto Tärkeitä huomioita ennen aloittamista -kohtiin, korostettu kaikki sekoituksen yksityiskohdat kaikissa sekoitusvaiheissa.
Lisätty sekoitusvaihe kohtaan Protokolla: EGFR-mutaatioiden havaitseminen.
Päivitetty Vianmääritys-kohtaan ratkaisu useiden rajojen ylittämiseksi.

R6, heinäkuu 2022

Päivitetty taulukkoa Häiritsevät aineet -osiossa: konjugoimattoman bilirubiinin pitoisuus 150 muutettu pitoisuuteen 15 mg/dbl.

Tämä sivu on jätetty tarkoituksella tyhjäksi.

Tämä sivu on jätetty tarkoituksella tyhjäksi.

Tämä sivu on jätetty tarkoituksella tyhjäksi.

therascreen® EGFR Plasma RGQ PCR Kit -sarjaa koskeva rajoitettu lisenssisopimus

Tämän tuotteen käyttö tarkoittaa ostajan tai käyttäjän suostumusta noudattaa seuraavia ehtoja:

1. Tuotetta saa käyttää ainoastaan tuotteen mukana toimitettujen protokollien ja tämän käsikirjan mukaisesti sekä ainoastaan paneelin sisältämien osien kanssa. QIAGEN ei myönnä immateriaalimaisuutensa lisenssiä tarkoitukseen käyttää tai liittää tämän paneelin sisältämiä osia muiden osien kanssa, jotka eivät sisälly tähän paneeliin lukuun ottamatta osia, jotka kuvataan tuotteen mukana toimitetuissa protokollissa, tässä käsikirjassa ja muissa protokollissa, jotka ovat saatavana osoitteessa www.qiagen.com. Osa lisäprotokollista on QIAGEN-käyttäjien toisille QIAGEN-käyttäjille laatimaa. QIAGEN ei ole testannut tai tarkistanut kyseisiä protokollia. QIAGEN ei anna takuuta lisämateriaalille eikä takaa, ettei se loukkaa kolmansien osapuolten oikeuksia.
2. Muutoin kuin selvästi ilmoitettujen lisenssien osalta QIAGEN ei takaa, että tämä paneeli ja/tai sen käyttäjä(t) ei (eivät) loukkaa kolmansien osapuolten oikeuksia.
3. Tämä paneeli ja sen osat on lisensoitu kertakäyttöön, ja niiden uudelleenkäyttö, kunnostaminen tai edelleenmyynti ovat kiellettyjä.
4. QIAGEN kiistää nimenomaisesti kaikki käyttöoikeudet, suorat tai epäsuorat, joita ei ole tässä nimenomaisesti ilmoitettu.
5. Paneelin ostaja tai käyttäjä suostuu siihen, ettei hän suorita tai anna muiden suorittaa toimenpiteitä, jotka voisivat johtaa edellä mainittuihin kiellettyihin tapahtumiin tai edesauttaa niiden syntymistä. QIAGEN saattaa vedota tämän rajoitetun lisenssisopimuksen kieltoihin tuomioistuimessa. QIAGEN perii kaikki tutkinta- ja oikeuskulut asianajajan palkkiot mukaan lukien, jotka aiheutuvat tämän rajoitetun lisenssisopimuksen tai sen henkistä omaisuutta koskevien oikeuksien toimeenpanemisesta paneeliin ja/tai sen osien osalta.

Katso päivitetty käyttöoikeusehdot osoitteesta www.qiagen.com.

Tavaramerkit: QIAGEN®, Sample to Insight®, QIAamp®, *therascreen*®, Rotor-Gene®, Scorpions® (QIAGEN Group); FAM™, HEX™ (Thermo Fisher Scientific Inc.); IRESSA® (AstraZeneca Group). Tässä asiakirjassa mainittuja rekisteröityjä nimiä, tavaramerkkejä jne. on pidettävä lain suojaamina, vaikkei niitä olisi erityisesti sellaisiksi merkitty.

Kesäkuu 2022 HB-1898-007 1127512FI © 2022 QIAGEN, kaikki oikeudet pidätetään.

